

PureBinding[®] RNA Immunoprecipitation Kit

Cat.No. P0101 (12 rxns)

Cat.No. P0102 (24 rxns)

Sufficient reagent for RIP assays per kit

按试剂标签提示分开储存

For research use only, not intended for diagnostic testing.

目录

背景介绍	1
应用范围	1
实验原理图	1
试剂盒组分	2
自备材料	2
实验前试剂准备	3
实验操作流程图	4
实验时间管理	5
实验前准备	6
实验操作	7
常见问题及处理方法	12
参考文献	13

背景介绍

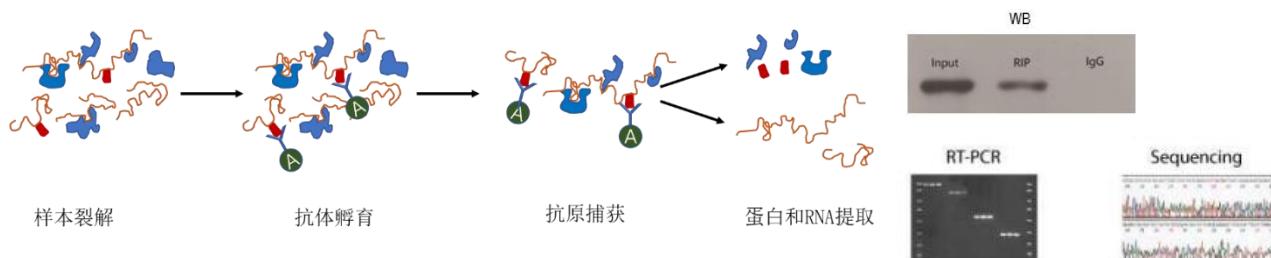
RNA Immunoprecipitation (RIP) 是研究细胞内 RNA 与蛋白结合的技术，是了解转录后调控网络动态过程的有力工具。

RIP 利用特异性抗体对目标蛋白进行捕获，实现目标蛋白-RNA 复合物的富集，再通过对复合物中蛋白和 RNA 的检测和分析，探索分子间相互结合关系。分离复合物中的 RNA，经过逆转录或构建 cDNA 文库，最后利用基因特异性分析技术（PCR、qRT-PCR）或高通量分析技术（高通量测序、基因芯片），分析复合物中 RNA 的类型及多少；分离复合物中的蛋白，通过 WB 或质谱等方法，还可用于做质控、检测目标蛋白抗体质量以及研究与目标蛋白结合的其他互作蛋白。

应用范围

- 与目标蛋白结合的 RNA 及其他相互作用蛋白分析；
- RBP 结合 RNA motif 鉴定；
- 不适用膜结合蛋白、DNA 结合蛋白（组蛋白、核仁蛋白等）的 RIP 实验。

实验原理图



试剂盒组分

编号	名称	规格 12 rxns	规格 24 rxns	保存条件
【1】	10× Buffer A	10mL	20mL	2 ~ 8°C
【2】	10× Buffer B	10mL	20mL	2 ~ 8°C
【3】	10× Buffer C	10mL	20mL	2 ~ 8°C
【4】	protein A+G beads	2mL	4mL	2 ~ 8°C
【5】	Buffer D	150µL	300µL	2 ~ 8°C
【6】	蛋白酶抑制剂	80µL	160µL	-25 ~ -18°C
【7】	RNase 抑制剂	80µL	160µL	-25 ~ -18°C
【8】	DR Columns	18 个	36 个	室温
【9】	RC Columns	18 个	36 个	室温
【10】	Buffer E	6mL	12mL	室温
【11】	Buffer F	6mL	12mL	室温
【12】	Buffer G	6mL	12mL	室温
【13】	RNase Free Water	6mL	12mL	室温

注：对照 (IgG) 组与实验 (IP) 组消耗试剂量相同，一次免疫沉淀（含 Input 组、IP 组及 IgG 组），要消耗 2 rxns 试剂量。

自备材料

自备仪器耗材	自备试剂
匀浆器（组织样本使用）	IgG 抗体 (IP 级)
低温离心机	目的蛋白抗体 (IP 级)
旋转培养器	PBS 缓冲液 (RNase free)
磁力架	DEPC 水
涡旋器	无水乙醇 (分析纯, 二级)
RNase free 离心管	β-巯基乙醇 (分析纯, 二级)
RNase free 枪头	70% 乙醇 (使用 DEPC 水配制)

实验前试剂准备

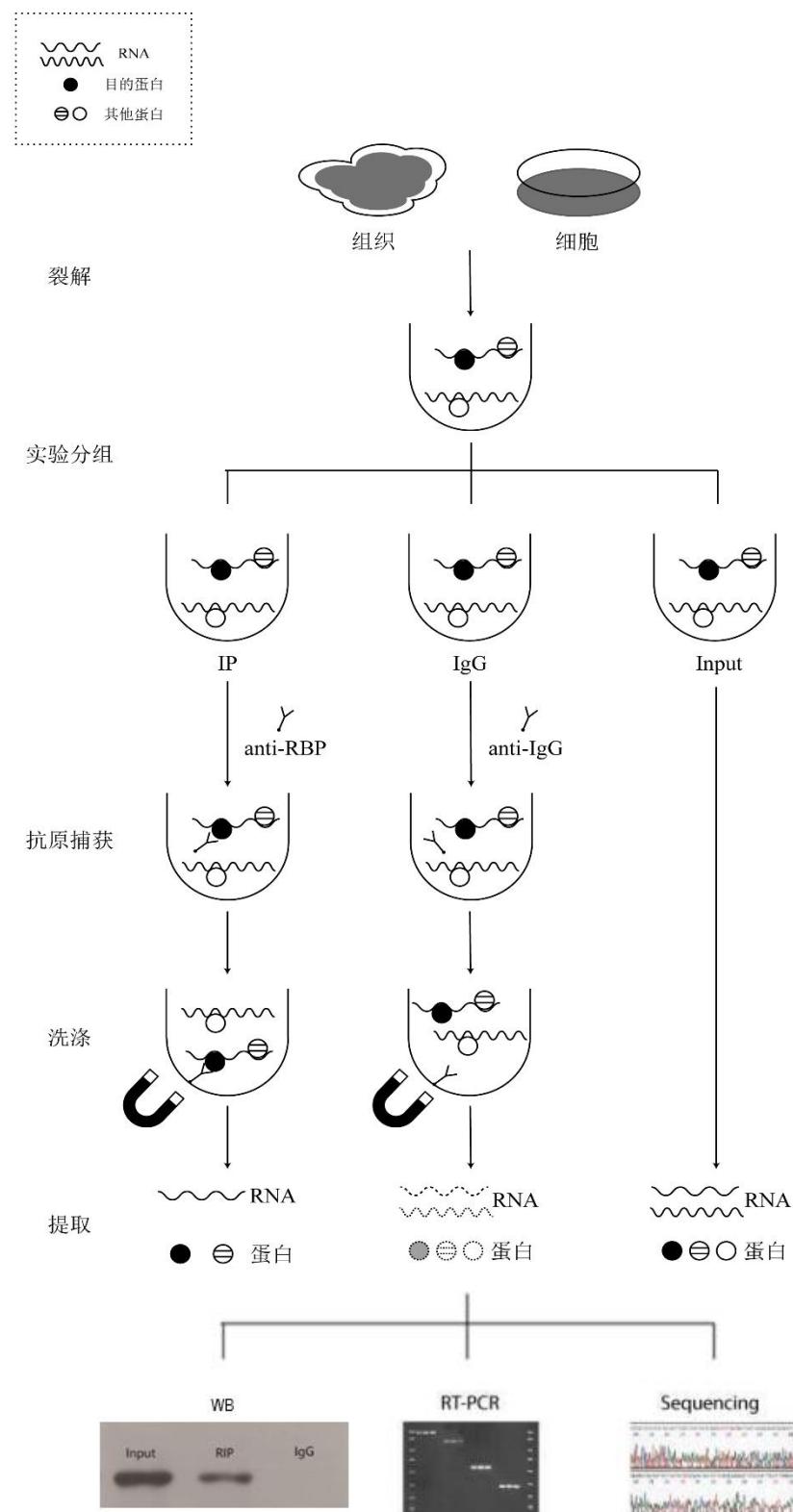
试剂编号	名称	使用说明	一次免疫沉淀使用量
【1】	10× Buffer A	每次使用前混匀, 用 DEPC 水稀释为 1×, 4°C保存, 当日使用。	13mL (1×)
【2】 *	10× Buffer B	每次使用前混匀, 用 DEPC 水稀释为 1×后加入 0.01%体积试剂 【7】, 4°C保存, 当日使用。	10mL (1×)
【3】 *	10× Buffer C	每次使用前混匀, 用 DEPC 水稀释为 1×后加入 0.01%体积试剂 【7】, 4°C保存, 当日使用。	10mL (1×)
【4】	protein A+G beads	混匀后使用。	300μL
【5】 *	Buffer D	混匀后使用。	20μL
【6】	蛋白酶抑制剂	室温融解, 混匀后使用。	10μL
【7】	RNase 抑制剂	混匀后使用。	12μL
【8】	DR Columns		3 个
【9】	RC Columns		3 个
【10】	Buffer E	每次使用前加入 1%体积β-巯基乙醇, 当日使用。	800μL (工作液)
【11】	Buffer F	使用前加入 1 倍体积无水乙醇。	1.5mL (工作液)
【12】	Buffer G	使用前加入 4 倍体积无水乙醇。	3mL (工作液)
【13】	RNase Free Water		300μL
自备	DEPC 水		1mL
自备	无水乙醇		5mL
自备	β-巯基乙醇		10μL

注: 1) 以上试剂 【1】 【2】 【3】 【10】 每次实验前需现配现用;

2) * 标记表示该试剂根据实验需求选择性使用;

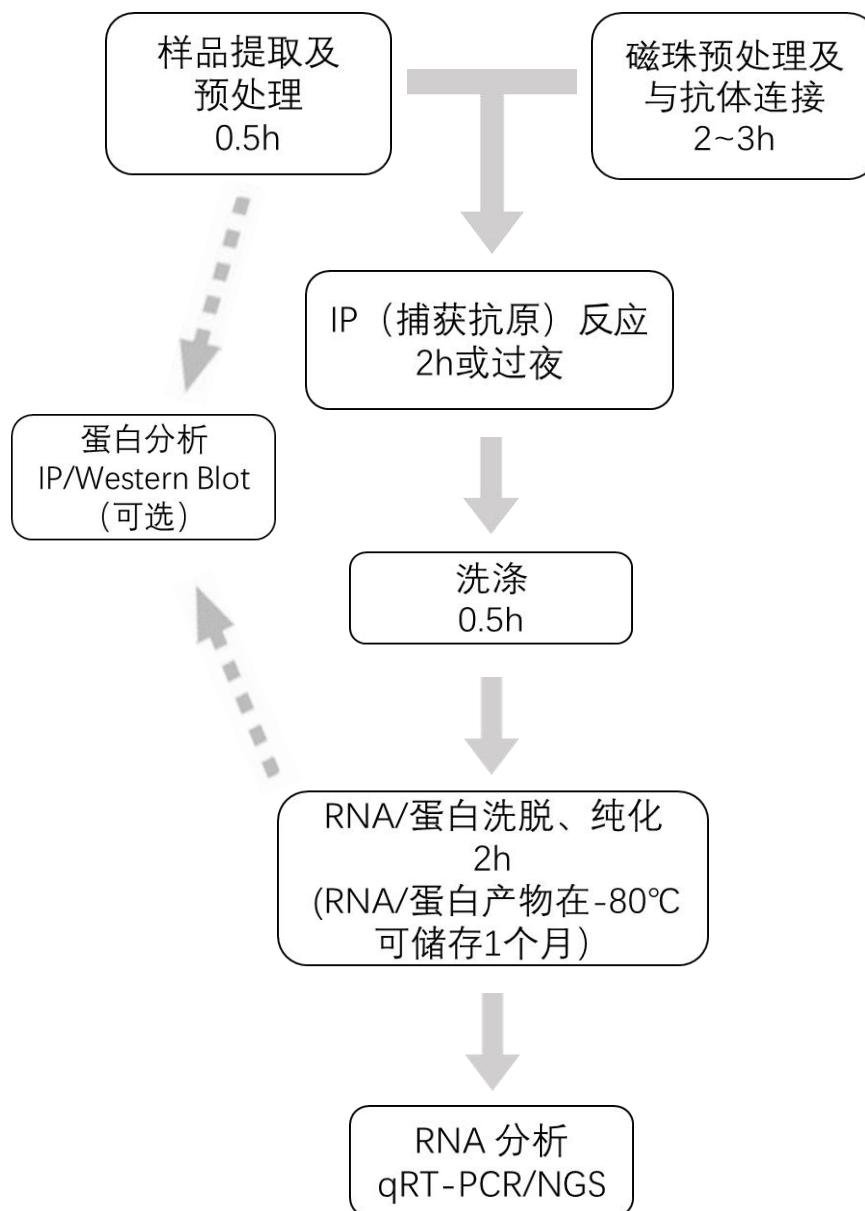
3) Buffer E 如有沉淀可 60°C水浴溶解后使用。

实验操作流程图



实验时间管理

实验前仔细阅读实验操作，参考本实验时间管理图，合理利用时间能更好提高实验效率。



实验前准备

1. 目的蛋白

目的蛋白抗体和 IgG 抗体应种属一致，且为 IP 级。使用量一般为 5 μ g，或参考抗体说明书中推荐的用量。

2. 细胞裂解

每个 RIP 使用的细胞总数必须根据 RNA 结合蛋白的丰度进行优化。如目的蛋白内源表达低，就需要增加细胞用量。通常，一次 RIP 反应 1E7 的细胞量对应 1mL 稀释后的 Buffer A，但最高 3E7 的细胞量也有测试过可以成功裂解。

3. RNase 控制

在整个实验中，应采取所有标准预防措施以尽量减少 RNase 污染。如所有步骤都应戴手套，所有接触细胞或细胞裂解物的仪器、玻璃器皿和塑料器皿应经认证的无核酸酶或应使用 DEPC 或其他 RNase 灭活试剂进行预处理。试剂盒含有 RNase 抑制剂，请按协议中说明进行操作。

4. 细胞样品准备

1) 贴壁细胞

- 刮取细胞

- ① 从培养皿或培养板上刮下细胞，转移到离心管，细胞计数；
- ② 500 \times g 离心 5min 收集细胞，弃上清，用预冷的 PBS 洗涤细胞；
- ③ 4°C，500 \times g 离心 5min 收集细胞，弃上清（可放-80°C保存）。

- 消化液消化收取细胞

- ① 弃掉培养基，用 PBS 冲洗细胞一次；
- ② 加胰蛋白酶消化解离细胞；
- ③ 加 10 倍体积的完全细胞培养基终止消化，收集细胞计数，转移到离心管；
- ④ 500 \times g 离心 5min 收集细胞，弃上清，用预冷的 PBS 洗涤细胞；
- ⑤ 4°C，500 \times g 离心 5min 收集细胞，弃上清（可放-80°C保存）。

2) 悬浮细胞

- ① 将细胞收到锥形管中，细胞计数；

② 500×g 离心 5min 收集细胞，弃上清，用预冷的 PBS 洗涤细胞；

③ 4°C，500×g 离心 5min 收集细胞，弃上清（可放-80°C保存）。

注意事项：

样品保存时间不宜过久，新鲜的样本有利于 RIP 实验的成功。

实验操作

1. 样本提取

● 组织样品：

1) 取 100mg 新鲜组织加入 1mL 冷 PBS（自备）进行洗涤，去除血液等；

2) 将洗净组织放入匀浆器，加入 1mL Buffer A(1×)工作液、10μL 蛋白酶抑制剂【6】、10μL RNase 抑制剂【7】，进行研磨，期间每研磨 1 min 置于冰上冷却 30 s，充分研磨后转置于 1.5 mL 无 RNase 离心管；

3) 4°C，10,000×g 离心，10 min 取上清。

● 细胞样品：

1) 1×10^7 个收集的细胞加入 1 mL Buffer A(1×)工作液、10μL 蛋白酶抑制剂【6】、10μL RNase 抑制剂【7】，吹打混匀，置于冰上裂解 10 min，期间涡旋 2 次，每次 5 s；

2) 4°C，10,000 ×g 离心，10 min 取上清置于无 RNase 离心管中。

注意事项：

a) 使用无 RNase 的吸头及离心管，尽量降低环境中 RNase 对实验的影响；

b) 冷 PBS（自备）洗涤应轻柔，勿使细胞组织破碎，PBS 可提前放于 4°C 预冷；

c) 细胞裂解时，应温和，防止核酸析出聚集成团；如果裂解不充分，可以适当增加裂解时间，但不宜过长，因为会使 RNA 降解；

d) 组织样品离心后取上清，应避免吸取到脂肪等不溶杂质。

2. 样品预处理

1) 取 50μL 上清液至新的离心管中标记为 Input 组，加入 50μL Loading buffer，混匀后沸水浴 5min，-20°C 保存，用于 WB 检测。

2) 取 100μL 上清液至新的离心管中标记为 Input 组，-20°C 保存，用于 RNA 提取。

3) *剩余上清液中加入 100μL protein A+G beads【4】，于 4°C，10 转/min 旋转反应 10min；

4) *置于磁力架, 取上清, 弃磁珠;

注意事项:

- a) 如果当天不能进行第 5 步(捕获抗原), 用于 RNA 提取的 Input 组上清液中需加入 200 μ L Buffer E【10】(已加 1% β -巯基乙醇), 立即-80°C保存。在第 5 步捕获抗原前半小时完成样品的处理, 可减少反复冻融对样品的伤害。
- b) 3)* 4)*步骤为可选择步骤, 使用 protein A+G beads 【4】对样品进行预处理, 对改善磁珠非特异结合有一定的帮助。

3. 磁珠预处理

- 1) 取 200 μ L protein A+G beads 【4】, 加入 1mL Buffer A(1 \times), 涡旋洗涤 5 s, 置于磁力架, 弃上清;
- 2) 重复洗涤 1 次后, 若产物用于测序, 则可直接跳到本步骤中第 6); (Buffer D 其中的成分或对测序有影响);
- 3) 加入 1mL Buffer A(1 \times), 20 μ L Buffer D 【5】, 于 4°C, 10 转/min 旋转反应 30min;
- 4) 置于磁力架, 弃上清;
- 5) 加入 1mL Buffer A(1 \times), 涡旋洗涤 5 s, 置于磁力架, 弃上清;
- 6) 加入 1mL Buffer A(1 \times), 充分混匀后分为 2 份, 各 500 μ L, 分别标记为 IP 组和 IgG 组;
- 7) 置于磁力架, 弃上清。

4. 抗体与磁珠连接

- 1) 经预处理的两管磁珠各加入 1mL Buffer A(1 \times), IP 组加入 5 μ g 的 IP 抗体, IgG 组加入 5 μ g 的 IgG, 4°C, 10 转/min 旋转反应 1~2 h;
- 2) 反应完成后, 置于磁力架, 弃上清;
- 3) 使用 1mL Buffer A(1 \times)涡旋洗涤 5 s, 置于磁力架, 弃上清;
- 4) 重复洗涤 1 次, 置于磁力架, 弃上清。

5. 捕获抗原

- 1) 分别在结合了 IP 抗体 (IP 组) 或 IgG (IgG 组) 的磁珠中加入 350 μ L Buffer A(1 \times) 和 400 μ L 组织或细胞裂解上清, 4°C、10 转/min 旋转反应 2h ~ 过夜。
- 2) 反应完成后, 置于磁力架, 弃上清。

注意事项:

- a) 长时间的反应会增加背景;

-
- b) 适当地增加反应时间或许对目标的捕获有利;
 - c) 如果抗原的丰度较低, 可适当减少 Buffer A(1×)的加入量, 更好的选择是在提取的时候使用更大的组织或细胞量。

6. 洗涤

- 1) 在磁珠复合物 (IP 组、IgG 组) 中各加入 1mL Buffer B(1×)或 Buffer C(1×), 涡旋洗涤 2min, 置于磁力架, 弃上清;
- 2) 重复洗涤 3~5 次。

注意事项:

- a) 多次洗涤对改善背景有一定的帮助;
- b) 如果想进一步降低背景, 可以使用 Buffer C(1×)进行洗涤, 但可能会破坏目标复合物之间的互作。

7. 提取蛋白

- 1) 最后一次洗涤时, 各吸取 100μL 磁珠复合物至新离心管中, 置于磁力架, 弃上清。
- 2) 加入 50μL loading buffer, 混匀后沸水浴 5 分钟, 置于磁力架, 收集上清, 进行 WB 检测。

8. 提取 RNA

- 1) 洗脱结合在磁珠上的复合物 (Input 组使用相同方法提取)
 - ① 在磁珠复合物 (IP 组、IgG 组) 中各加入 300μL Buffer E【10】, Input 组加入 200μL Buffer E【10】, 涡旋 30 s;
 - ② 置于磁力架, 收集上清;
- 2) 过柱去除 DNA
 - ① 将上清加入 DR Columns 【8】滤柱;
 - ② 10,000×g, 离心 1 min, 收集滤液;
 - ③ 在滤液中加入等体积的 70%乙醇, 移液器吹打 3~5 次;
- 3) 过柱纯化 RNA
 - ① 将混有 70%乙醇的滤液加入到 RC Columns 【9】滤柱;
 - ② 10,000×g, 离心 30~60 s, 弃滤液;
 - ③ 在 RC Columns 【9】滤柱上加入 500μL Buffer F (含无水乙醇) 【11】;
 - ④ 10,000×g, 离心 30~60 s, 弃滤液;
 - ⑤ 在 RC Columns 【9】滤柱上加入 500μL Buffer G (含无水乙醇) 【12】;

-
- ⑥ 10,000×g, 离心 30~60 s, 弃滤液;
 - ⑦ 重复⑤~⑥步骤一次;
 - ⑧ 空柱 12,000×g, 离心 3 min, 弃滤液;
 - ⑨ 将滤柱转移至新的无 RNase 离心管中, 垂直悬空加入 30~100μL RNase free water 【13】至柱膜中央;
 - ⑩ 室温静置 3 min; 12,000×g, 离心 3 min, 将收集到的 RNA 保存于-80°C; 或将其加至柱膜中央, 重复步骤⑩进行第二次洗脱可提高 RNA 产量。

注意事项:

- a) Input 样品量不宜过多, 否则会堵塞滤柱;
- b) 反复对样品进行冻融会造成 RNA 的降解, 确保冻融不超过 2 次;
- c) 试剂盒中提供的 RNase Free Water 【13】不含抑菌剂, 操作时可能会引入细菌或真菌污染。可使用新的 RNase Free Water 【13】或 DEPC 水 (自备);
- d) 70%乙醇可使用 Buffer G (含无水乙醇) 【12】替代;
- e) 由于洗脱柱的容量及洗脱能力有限, 因此如果产物量不够下游实验要求, 如测序, 可以重复实验, 合并产物;
- f) 过柱纯化的 RNA, 如果用于测序, 建议加入不超过 30μL 的 RNase free water, 避免浓度过低。

9. 产物分析

1) 蛋白产物分析

RIP 实验的蛋白产量一般较低, 可直接取 20μL 进行 WB 检测。目的蛋白丰度、富集效率、抗体质量等均可从 WB 结果中判断, 可依据结果对实验条件或操作进行相应调整。

2) RNA 产物分析

洗脱纯化的 RNA, 产物量一般不足以直接测量出浓度, 可通过定量 RT-PCR (如果已知 RBP 的结合靶基因), 或通过测序技术进行分析。

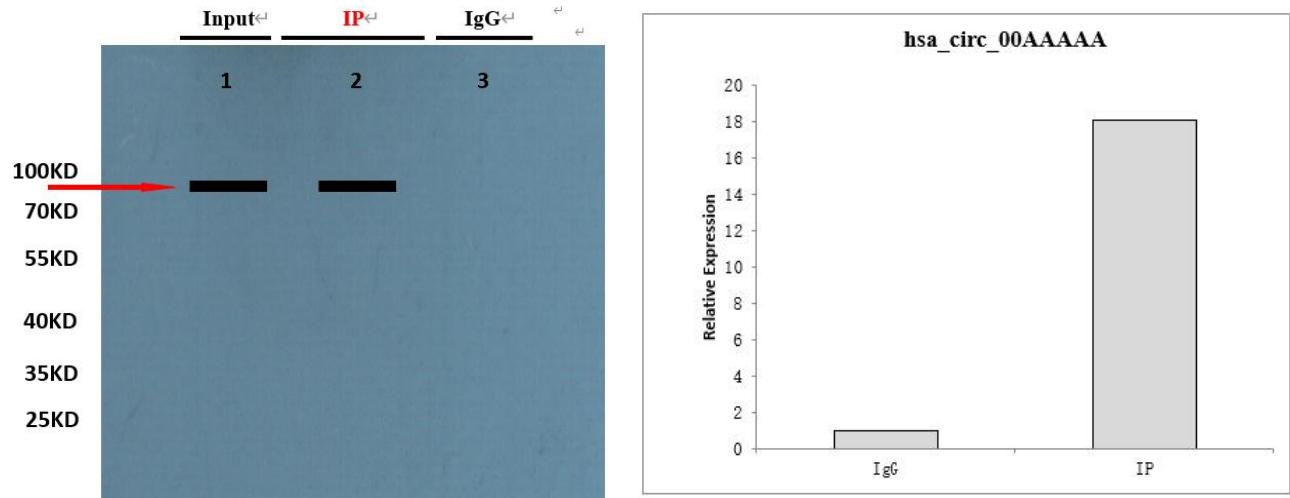
● qPCR 数据处理

根据 $2^{-\Delta\Delta Ct}$ 公式计算目标基因相对表达情况:

$$\Delta\Delta Ct = (Ct_{IP} - Ct_{Input}) - (Ct_{IgG} - Ct_{Input}) = X \quad (Input \text{ 组目标基因 } Ct_{Input} \text{ 值作为参照 } Ct \text{ 值})$$

则目标基因的 IP 组表达水平为 IgG 组的 2^{-X} 倍。

3) 结果示例图



注意事项:

- 对于反转录，用户可以使用我司的反转录试剂盒或其他商用反转录试剂盒；
- 由于 RNA 浓度未知，建议取所用反转录体系的最大 RNA 上样量进行逆转录。

常见问题及处理方法

问题	原因	建议解决方案
qRT-PCR 结果异常， CT 值过高或无	RNA 产物不足	增加样本量；
	RNA 在选定的细胞中或是给定的培养条件下为非靶基因	更换细胞或更换培养条件；
	miRNA 没有有效洗脱	将 8-2)-③步换为无水乙醇；
WB 检测结果异常， 条带不符或无	条带信号不足	增加或减少样本量（样本量过多， 裂解不充分， 无法有效释放目的蛋白）； 增加抗体用量；
	抗体未免疫沉淀到目的蛋白	检查是否用了正确的 IP 级抗体； 用裂解物预检或取部分裂解物作为产物 WB 检测的一个对照检测抗体质量、 裂解液裂解效果等； 更换其他品牌抗体；
	目的蛋白内源表达过低	增加样本量或做目的蛋白过表达；
	蛋白降解	使用新鲜或冻存时间不长的样本；
	非特异性结合蛋白条带过多	减少孵育时间、 增加洗涤次数；
IP 组和 IgG 组需要差异倍数多少才是有效果？		有统计意义即可；
裂解细胞样品， 适用于裂解细菌吗？		可以， 细菌需要用液氮速冻研磨后， 再进行裂解步骤即可。

参考文献

1. Lv Yue,Lu Gang,Cai Yuling et al. RBM46 is essential for gametogenesis and functions in post-transcriptional roles affecting meiotic cohesin subunits.[J] .Protein Cell, 2023, 14: 51-63.
2. Fan Hong,Yang Jialei,Zhang Kun et al. IRES-mediated Wnt2 translation in apoptotic neurons triggers astrocyte dedifferentiation.[J] .NPJ Regen Med, 2022, 7: 42.
3. Liang Leilei,Zhu Yunshu,Li Jian et al. ALKBH5-mediated m6A modification of circCCDC134 facilitates cervical cancer metastasis by enhancing HIF1A transcription.[J] .J Exp Clin Cancer Res, 2022, 41: 261.